

Additional file 7. Transporter (T) and regulatory (R) genes of *BAp* significantly correlated with low SIDD values of (i.e., associated with unstable promoter regions).

Gene Name	Gene Class	SIDD	Gene Name	Gene Class	SIDD
<i>atpC</i>	T	7.973626	<i>znuC</i>	T	1.852131
<i>dnaA</i>	R	1.983502	<i>htpX</i>	T	2.043931
<i>yidC</i>	T	2.183305	<i>cspC</i>	R	5.848372
<i>groES</i>	T	-0.624856	<i>yoaE</i>	T	1.045343
<i>mopA</i>	T	9.335936	<i>ompA</i>	T	-0.106481
<i>rpoH</i>	R	-0.111287	<i>mviN</i>	T	-0.165919
<i>hupA</i>	R	-0.410921	<i>flgN</i>	T	4.663798
<i>secE</i>	T	1.420129	<i>flgA</i>	T	3.194396
<i>secB</i>	T	2.587975	<i>flgJ</i>	T	5.821109
<i>rpoD</i>	R	-0.292089	<i>flgK</i>	T	-0.40305
<i>crr</i>	T	8.800626	<i>ptsG</i>	T	7.364209
<i>ptsI</i>	T	9.276389	<i>ompF</i>	T	0.750697
<i>ptsH</i>	T	1.614172	<i>uup</i>	T	8.572132
<i>fliE</i>	T	-0.622341	<i>pepA</i>	R	-0.767923
<i>fliM</i>	T	4.798038	<i>secG</i>	T	-0.49429
<i>fliR</i>	T	8.752966	<i>yrbA</i>	R	1.463955
<i>ydiK</i>	T	-0.756372	<i>ffh</i>	T	1.98595
<i>himA</i>	R	6.928056	<i>fis</i>	R	0.707795
<i>yajC</i>	T	8.343122	<i>alaS</i>	R	4.002205
<i>yabI</i>	T	1.583825	<i>csrA</i>	R	3.583716
<i>lspA</i>	T	5.821346	<i>ygfZ</i>	R	5.984634
<i>dnaK</i>	T	8.710727	<i>ybeX</i>	T	5.986981
<i>ychA</i>	R	-0.574629	<i>yhgN</i>	T	-0.17535
<i>dksA</i>	R	-0.534075	<i>mscS</i>	T	-0.11272
<i>secA</i>	T	4.372674	<i>yajR</i>	T	2.690397
<i>flhB</i>	T	-0.60933	<i>bolA</i>	R	-0.709555
<i>flhA</i>	T	9.526875	<i>tig</i>	T	0.228236
<i>lepB</i>	T	9.358191	<i>mdl</i>	T	1.041389
<i>lepA</i>	T	-0.036418	<i>mdlB</i>	T	9.190276
<i>ycfC</i>	R	8.365733	<i>cspE</i>	R	-0.118034
<i>ychE</i>	T	2.783647	<i>secY</i>	T	5.376038
<i>hns</i>	R	0.229495	<i>tsgA</i>	T	-0.011042
<i>yciC</i>	T	2.159532	<i>yhgI</i>	T	4.782152
<i>yedA</i>	T	-0.287544	<i>mtlA</i>	T	1.491904
<i>lolC</i>	T	5.660755	<i>pitA</i>	T	1.845044
<i>lolD</i>	T	9.431697	<i>ynfM</i>	T	6.035342
<i>glpF</i>	T	8.041876	<i>yfgM</i>	T	3.384412
<i>himD</i>	R	-0.192268			